

Уважаемые читатели,

биобанкирование вносит значительный вклад в развитие персонализированной медицины в России и в мире. Уже шестой год наш журнал традиционно готовит номер, посвященный задачам биобанкирования.

Номер открывает статья *Борисовой А.Л. и соавт.* "Стандартизация биобанкирования в России: оценка уровня внедрения, проблемы и перспективы". Авторы провели анкетирование представителей биобанков — членов НАСБИО (Национальной ассоциации и специалистов по биобанкированию). Впервые в России проведено изучение степени внедрения международных стандартов биобанкирования в деятельность российских биобанков. Результаты опроса показали, что российские специалисты в области биобанкирования в целом демонстрируют приверженность качеству и заинтересованность в стандартизации деятельности биобанков.

В номер вошли двенадцать оригинальных статей, описывающих новейшие научные достижения биобанкирования. Например, на основе коллекций Биобанка ФГБУ "НМИЦ ТПМ" Минздрава России и Биобанка Северной Евразии определены частоты аллелей и генотипов генов *NFKB1A*, *TLR3*, *TMPRSS2*, ассоциированных с осложнениями при COVID-19 (COroNa Virus Disease 2019). Изучена геногеография SNP-маркеров и выявлены закономерности их распределения в коренном народонаселении России и мира. Авторы составили карты геногеографической изменчивости, которые позволяют выявить регионы России и мира, для которых анализируемые ДНК-маркеры в наибольшей степени являются рисковыми при тяжелом течении COVID-19.

Генетические вариации в генах, кодирующих белки врождённого иммунитета, включая TLR-рецепторы, а также в генах, регулирующих интерфероновый ответ и воспаление, могут определять тяжесть COVID-19.

В другом исследовании изучена частота встречаемости четырех полиморфизмов генов *MUC5B* rs35705950, *TERT* rs2736100, *TLR3* rs3775290 и *TLR7* rs179008 в популяции, ассоциация которых с тяжестью COVID-19 уже доказана в международных



исследованиях, но не экстраполирована на российскую популяцию. Результаты подчеркивают ценность локальных биобанков для изучения популяционных особенностей распределения аллелей и выявления генетических факторов, влияющих на течение инфекционных заболеваний.

В обзорной статье приведено обоснование целесообразности создания национальной сети банков фекальной микробиоты (ФМ) с учетом мировой и российской нормативно-правовой практики, существующих ресурсов здравоохранения, при участии профильных общественных организаций. Широкое региональное разнообразие микробиома позволяет рассчитывать на выявление "супердоноров", внедрение персонализированной трансплантации ФМ на основе поддержки принятия врачебных решений. Внедрение сети банков ФМ увеличивает возможности метагеномной регуляции здоровья человека в Российской Федерации.

Приятного чтения,
Главный редактор,
д.м.н., профессор, академик РАН
Драпкина Оксана Михайловна